

1^{ère} Journée autour des mathématiques et de l'informatique en analyse de données et d'imagerie en oncologie

12 juin, à l'Institut de Cancérologie de Lorraine

10h00 – 10h30 : Accueil des participants

10h30 : Mots de Bienvenue

Session 1 : 10h35-12h35 Applications en OMICs (Alain Richard et Antoine Perasso)

- Laurent Vallat et Nicolas Champagnat (Strasbourg/Nancy) : *Reconstruction d'un programme cellulaire leucémique à l'aide de données multi-Omics temporelles.*
- Taha Boukhobza, Marianne Clausel, Helene Dumond, Charlène Thiebaut, Romain Thierry-Laumont (Nancy) : *Apprentissage semi-supervisé pour la complétion de données biologiques.*
- José Lages (Besançon) : *Matrice de Google réduite appliquée à l'analyse de réseaux biologiques dirigés.*
- Alain Richard (Nancy) : *Modélisation mathématique de culture 3D de cellules tumorales : apports et limites actuelles.*

12h35-13h30 Pause déjeuner

Session 2 : 13h30-16h30 Applications en Imagerie et OMICs (Alexandre Harlé et Antoine Perasso)

- Alexandre Harlé et Nicolas Champagnat (Nancy) : *Utilisation de l'ADN tumoral circulant pour la modélisation dynamique des résistances aux thérapies ciblées.*
- Emilie Tisserant (Dijon) : *Détection des CNVs en mosaïque par séquençage d'exome à l'aide de XHMM et de l'étude des SNPs exoniques.*
- Florent Marie et Lorédane Vieille (Besançon) : *Segmentation de reins déformés et de néphroblastomes assistée par IA chez l'enfant.*
- Raphaël Marée (Liège) : *Cytomine: technologies web et machine learning pour l'analyse collaborative d'images biomédicales.*
- Cédric Wemmert (Strasbourg) : *Etude des modèles spatiaux du microenvironnement immunitaire afin d'exploiter tout le potentiel prédictif des biopsies protocolaires dans le cadre du cancer du sein.*
- Stéphanie Salmon (Reims) : *Une plateforme libre pour obtenir des angiographies virtuelles.*